

Žádanka k molekulárně genetickému vyšetření



ONKOGENETIKA – SOMATICKÝ GENOM

Jméno a příjmení:				Jméno lékaře, odbornost, IČP/IČZ, Razítko a podpis:
Číslo pojištění:				
Kód pojišťovny:		Pohlaví:	☐ muž ☐ žena	
Základní diagnóza:				
Datum a čas odběru:				
Datum a čas přezkoumání:	(vyplňuje LAB)			
Datum a čas příjmu:	(vyplňuje LAB)			

Provedení vyšetření:	☐ Rutina	☐ Statim (po předchozí domluvě)
-----------------------------	---------------------------------	--

Materiál:									
☐	DNA	☐	Mikrodisekce						
☐	Nativní tkáň ve fyziologickém roztoku / RNA lateru (nehodící se škrkněte)	☐	Parafinový blok / řezy (bioptické číslo):						
☐	ctDNA (periferní krev – zkumavka Streck)	☐							
☐	FNAB								
☐	Jiný:	Procento nádorové tkáně v bloku:							
Lokalizace odběru tkáně:									
☐	ovarium	☐	peritoneum	☐	omentum	☐	endometrium	☐	prostata
☐	pankreas	☐	mozek	☐	plice	☐	štítná žláza	☐	kůže
☐	střevo	☐	uzlina	☐	Jiný:				

Vyšetření:	☐ Izolace DNA
-------------------	--------------------------------------

Cílené prediktivní testování				
Vyšetření: Prediktivní a prognostické markery				
☐	KRAS	☐	B-klonalita (IgH)	☐ Jiné:
☐	NRAS	☐	B-klonalita (IgK, IgL)	
☐	BRAF	☐	T-klonalita	
☐	EGFR			
☐	ctEGFR			

Vyšetření:		Karcinom endometria
☐	TP53, POLE, MLH1, MSH2, MSH6, PMS2, MSI (mikrosatelitová instabilita) (DNA)*	
Vyšetření:		Karcinom štítné žlázy
☐	BRAF, TERT, RET, HRAS, KRAS, NRAS, TP53, CTNNB1, PIK3CA, PTEN, AKT1 (DNA)* Genové fúze: RET::PTC1, RET::PTC2, RET::PTC3, PAX8::PPARG, NTRK1, NTRK2, NTRK3	
Vyšetření:		Nádory CNS
☐	Základní analýza	IDH1 (kodon 105 a 132), IDH2 (kodon 140 a 172), TERT (C228T a C250T) Metylační status promotoru MGMT
☐	Rozšířená analýza DNA	ACVR1, ATRX, BRAF, CTNNB1, FGFR1, H3F3A, H3C14, H3C2, IDH1, IDH2, INA, KIAA1549, MAMLD1, MYB, MYBL1, MYCN, NF2, QKI, RAF1, RELA, SMARCB1, SRGAP1, TACC1, TACC3, TERT, TP53, YAP1 a ZFTA*. Amplifikace genu EGFR a detekce homozygotních delecí genu ATRX, CDKN2A, CDKN2B. Metylační status promotoru MGMT.
☐	Rozšířená analýza RNA	Genové fúze: FGFR3::TATCC3, FGFR1::TACC1, FGFR2::INA, KIAA1549::BRAF, MYB::QKI, SRGAP::RAF1, ZFTA::RELA, 4AP1::MAMLD1. Detekce zachování či ztráty exprese u genu ATRX.
Vyšetření:		Karcinom ledvin
☐	ALK, BAP1, BRAF, CCND1, ELOC (TCEB1), FH, KRAS, MET, MTOR, NTRK1, NTRK3, SDHA, SDHB, SDHC, SDHD, SMARCB1, TFE3, TFE3, TSC1, TSC2, VHL, WT1 (DNA/RNA)*	

Komplexní prediktivní testování	
Vyšetření:	
☐	Nádorová onemocnění – NGS panel genů**
☐	Hereditární nádorové syndromy a somatické změny v nádorové tkáni (DNA)
☐	Komplexní prediktivní testování u karcinomu prsu (DNA/RNA)
☐	Komplexní prediktivní testování u kolorektálního karcinomu (DNA/RNA)
☐	Komplexní prediktivní testování u NSCLC (DNA/RNA)
☐	Komplexní prediktivní testování u dalších solidních nádorů (DNA/RNA)
☐	Sarkomy - komplexní diagnostika (DNA/RNA)
Další vyšetření:	
☐	MSI (mikrosatelitová instabilita)
☐	Metylace promotorů MLH1, MSH2, MSH6, PMS2 (Mismatch Repair geny - MMR) – MLPA

Poučení proběhlo v rámci chirurgického zákroku. Informovaný souhlas je založen ve zdravotní dokumentaci pacienta.

Komentář:

* Tyto prediktivní markery jsou vyšetřovány a reportovány v rámci výsledku NGS panelu genů

** Seznam vyšetřovaných genů a oblastí viz *Aktuální seznam činností prováděných v rámci flexibilního rozsahu akreditace*, www.fno.cz a www.slg.cz



Zdravotnická laboratoř č. 8194 akreditovaná ČIA
dle platné verze ČSN EN ISO 15189

[A] – vyšetření v rozsahu akreditace (lze uplatnit flexibilní přístup k rozsahu akreditace)

Katalog tiskopisů FNO - složka NLP, Kód MTZ: 3602578 Strana 2 (celkem 2) Revize číslo: 04



M 8194